

Stempelsteuer auf dem Original in virtueller Form im Ausmaß von 48,00 Euro angewandt (Gen. Ag. Einnahmen BZ Nr. 9448/2006).

**VERTRAGSABKOMMEN
zwischen
DEM SANITÄTSBETRIEB DER AUTONOMEN
PROVINZ BOZEN,**

in der Folge **Sanitätsbetrieb** genannt, mit Sitz in Bozen, Sparkassenstraße Nr. 4, St.Nr./MwSt.Nr. 00773750211, vertreten durch den Generaldirektor Dr. Florian Zerzer,

und

der Stiftung "Casa Sollievo della Sofferenza – Opera di San Pio da Pietralcina" von San Giovanni Rotondo (FG) ,

vertreten durch Dr. Michele Giuliani, als Generaldirektor und gesetzlicher Vertreter derselbe Stiftung, MWSt.-Nummer und Steuercodex 00138660717, mit Sitz in Cappuccini-Allee, San Giovanni Rotondo (FG) und dazu gesetzlicher Vertreter des gleichnamigen Krankenhauses „Casa Sollievo della Sofferenza I.R.C.C.S.“ von San Giovanni Rotondo (F) und des medizinischen Genetiken Labors „Istituto C.S.S. Mendel“ mit Sitz in Königen Margherita – Allee 261 in Rom, im Folgenden kurz „**CSS**“ genannt;

**zwecks Leistungen der zytogenetischen
und biochemischen Analysen**

Vorausgeschickt dass:

- **CSS**, auch in seiner Zweigstelle „Istituto CSS-Mendel“ in Rom, sowohl wissenschaftliche Forschung als auch instrumental-diagnostische- und Labortätigkeit im Bereich der Medizinischen und Humangenetik durchführt;
- die Labore und Ambulatorien des „Istituto CSS-Mendel“ von Rom, angemessen ausgerüstet sind und mittels der notwendigen technologischen Ausstattung, eine effiziente Durchführung der Tätigkeit bezüglich zytogenetischer Diagnose, Molekulargenetik und genetischer Beratung gewährleisten;
- es für das **Sanitätsbetrieb** und das **CSS** von gegenseitigem Interesse ist, ein Abkommen bezüglich einer Zusammenarbeit, die mittels der Teilung von technologischen Ressourcen und Berufserfahrungen, die Verstärkung und die Erweiterung der wissenschaftlichen Forschung und der diesbezüglichen diagnostischen Leistungen ermöglicht;
- die vom „Istituto CSS-Mendel“ von Rom durchgeführte Tätigkeit jene der Dienste für Kinder- und Jugendneuropsychiatrie und für genetische Beratung des **Sanitätsbetriebs** effizient ergänzen kann, mit Rücksicht auf die ethischen und religiösen Grundsätzen des **CSS**;
- beide Parteien ermächtigt sind, Abkommen für Zusammenarbeiten zu unterzeichnen, in Einklang mit den institutionellen Aufgaben, im Bereich der Forschung und der Betreuung;
- der **Sanitätsbetrieb** die Entscheidung

Imposta di bollo assolta sull'originale in modo virtuale (Aut. Ag. Entrate BZ n. 9448/2006) nella misura di 48,00 Euro.

**ACCORDO CONTRATTUALE
fra
L'AZIENDA SANITARIA DELLA PROVINCIA
AUTONOMA DI BOLZANO,**

in seguito denominata **Azienda Sanitaria**, con sede in Bolzano, via Cassa di Risparmio n. 4, cod.fisc./P.IVA 00773750211, rappresentata dal Direttore Generale dott. Florian Zerzer,

e

la Fondazione "Casa Sollievo della Sofferenza" Opera di San Pio da Pietralcina di San Giovanni Rotondo,

rappresentata dal Dott. Michele Giuliani, nella sua qualità di Direttore Generale e Legale Rappresentante della medesima Fondazione, P.IVA e C.F. 00138660717, con sede legale in Viale dei Cappuccini, Snc San Giovanni Rotondo (FG), quindi legale rappresentante dell'omonimo Ospedale "Casa Sollievo della Sofferenza" I.R.C.C.S. di San Giovanni Rotondo (FG) e del Poliambulatorio Specialistico e Laboratorio Specializzato di Genetica Medica denominato "Istituto C.S.S. Mendel" e sito in Viale Regina Margherita n. 261 Roma, di seguito, per brevità, anche soltanto **CSS**,

**per prestazioni di analisi biochimiche, analisi
di genetica molecolare e citogenetiche**

Premesso che:

- **CSS** svolge anche nella sua sede "Istituto CSS-Mendel" di Roma sia attività di ricerca scientifica che attività di diagnostica strumentale e di laboratorio nel settore della genetica medica/umana;
- i laboratori e gli ambulatori esistenti presso l'"Istituto CSS-Mendel" di Roma sono convenientemente attrezzati e garantiscono le dotazioni tecnologiche indispensabili allo svolgimento efficiente di attività di diagnosi citogenetica, di genetica molecolare e di consulenza genetica;
- è interesse reciproco della **CSS** e dell'**Azienda Sanitaria** stipulare un accordo di collaborazione che, attraverso la condivisione delle risorse tecnologiche e delle competenze professionali esistenti presso entrambe le istituzioni, consenta di potenziare ed ampliare le attività di ricerca scientifica e le prestazioni diagnostiche erogabili nel predetto settore;
- l'attività espletata presso l'"Istituto CSS-Mendel" di Roma può efficacemente integrare l'attività svolta dall'**Azienda Sanitaria** presso i suoi servizi di Neuropsichiatria Infantile e dell'Adolescenza e di consulenza genetica nel rispetto dei principi etici e religiosi della **CSS**;
- entrambe le parti sono abilitate a porre in essere accordi di collaborazione in sintonia con i compiti istituzionali nel settore della ricerca scientifica e dell'assistenza;
- l'**Azienda Sanitaria** è venuta nella

getroffen hat, die Tätigkeit des **CSS** für die Durchführung von den, im genetischen Bereich hochwertigen, diagnostischen Leistungen in Anspruch zu nehmen;

dies alles vorausgeschickt
wird es folgendes vereinbart und festgesetzt:

Art. 1 - Prämisse

Die Prämisse gelten als wesentlicher Bestandteil dieser Maßnahme.

Art. 2 - Leistungen

CSS verpflichtet sich für den **Sanitätsbetrieb** folgende Leistungen zu den Tarifen der nationalen Tariftabelle -15% durchzuführen, an welchen eine Ermäßigung von 5% angewandt wird:

- Suche nach Chromosomenrearrangement(CGH ARRAY) (bestehend aus: DNS- oder RNS-Extraktion - 91.36.5 x 1; In-Situ-Hybridisierung mit genomischen Sequenzen YAC - 91.37.2 x 4; periphere Lymphozytenkultur - 91.34.5 x 1);
- Molekulardiagnose für Acondroplasia (bestehend aus DNS-Extraktion - 91.36.5 x 1; Analyse von DNS-Segmenten mittels Sequenzierung - 91.30.3 x 1);
- molekulargenetische Analyse auf Angelman-Syndrom, (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Deletionen, Duplikationen und Methylierungsdefekten der PWS/AS-Region durch MS-MLPA -91293x2; 91294x1; 91364x1);
- molekulargenetische Analyse auf spinale Muskelatrophie (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Deletionen des SMN1-Gens durch MLPA - 91293x2; 91294x1);
- molekulargenetische Analyse auf Beckwith-Wiedemann-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Deletionen, Duplikationen und Methylierungsdefekten der BWS/SRS-Region durch MS-MLPA - 91293x2; 91294x1; 91364x1);
- molekulargenetische Analyse auf branchio-oto-renales-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des EYA1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 5;- Suche nach Mutationen des EYA1-Gens durch Sequenzierung - 91303x1);
- molekulargenetische Analyse auf cardio-facio-cutanea-Syndrom NGS-RASopatie (einschließlich: 2. Generation Sequenzierung für cardio-facio-cutanea-Syndrom- 91303 x 7);

determinazione di avvalersi dell'attività della **CSS** al fine di effettuare prestazioni diagnostiche di elevata qualità in campo genetico;

tutto ciò premesso
si conviene e si stipula quanto segue:

Art. 1 - Premesse

Le premesse fanno parte integrante del presente atto.

Art. 2 - Prestazioni

CSS si impegna ad eseguire per l' **Azienda Sanitaria** le prestazioni, di seguito indicate, al costo indicato dal tariffario nazionale vigente tempo per tempo -15% di sconto a cui andrà applicato un ulteriore sconto del 5%:

- ricerca riarrangiamenti cromosomici (CGH ARRAY) (comprendente: estrazione di Dna o Rna - 91.36.5 x 1; ibridazione in situ con sequenze genomiche YAC - 91.37.2 x 4; coltura linfociti periferici - 91.34.5 x 1);
- diagnosi molecolare di Acondroplasia (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi di segmenti DNA mediante sequenziamento - 91303 x 1);
- diagnosi molecolare di sindrome di Angelman, (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; ricerca di delezioni, duplicazioni e difetti di metilazione della regione PWS/AS mediante MS-MLPA -91293x2; 91294x1; 91364x1);
- diagnosi molecolare di Atrofia muscolare spinale (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; ricerca di delezioni del gene SMN1 mediante MLPA - 91293x2; 91294x1);
- diagnosi molecolare di sindrome di Beckwith-Wiedemann (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; ricerca di delezioni, duplicazioni e difetti di metilazione della regione BWS/SRS mediante MS-MLPA - 91293x2; 91294x1; 91364x1);
- diagnosi molecolare di sindrome Brachio-Oto-Renale (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi mutazionale del gene EYA1 mediante analisi sequenziamento - 91303 x 5; Analisi di mutazione nota del gene EYA1 mediante sequenziamento - 91303x1);
- diagnosi molecolare di sindrome cardiofaciocardutanea, NGS-RASopatie (comprendente: sequenziamento di seconda generazione per la sindrome cardiofaciocardutanea - 91303x7);

- molekulargenetische Analyse auf cardio-facio-cutanea-Syndrom BRAF Gens (einschließlich: Suche nach Mutationen des BRAF-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 3; - Suche nach Mutationen des BRAF-Gens durch Sequenzierung - 91303x1)

- molekulargenetische Analyse auf Costello Syndrom, NGS-RASopathie ((einschließlich: 2. Generation Sequenzierung für Costello Syndrom-91303 x 7);

- molekulargenetische Analyse auf uniparentale Disomie (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach uniparentaler Disomie des Chromosoms 2 oder 6 oder 14 oder 16 oder 20 durch Analyse von polymorphen Mikrosatelliten-Markern - 91302 x 4);

- molekulargenetische Analyse auf okulodentodigitale Dysplasie (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des GJA1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 3; Suche nach Mutationen des GJA1 Gens durch Sequenzierung - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf myoklonische Dystonie (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des SGCE-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 4; Suche nach Mutationen des SGCE-Gens durch Sequenzierung - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf primäre Torsionsdystonie (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach der bekannten Mutation des DYT1-Gens - 91302 x 1; Suche nach Mutationen des THAP1-Gens durch Sequenzierung - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf myotone Dystrophie Steinert (1. Ebene SHORT PCR einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutation des DMPK-Gens mittels PCR - 91302 x 1; 91293 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Gliedergürteldystrophie Typ 1C (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des CAV3-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 1; Suche nach Mutationen des CAV3-Gens durch Sequenzierung - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf Ellis-Van Creveld-Syndrom, EVC-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des EVC-Gens durch Sequenzierung 91303 x 7; Suche nach Mutationen des EVC-Gens durch Sequenzierung - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf Ellis-Van Creveld-Syndrom, EVC2-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des EVC2-Gens durch Sequenzierung 91303 x 7; Suche nach Mutationen des EVC2-Gens durch Sequenzierung - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf multiple hereditäre Exostosen, EXT1-Gen (einschließlich:

- diagnosi molecolare di sindrome cardiofaciocutanea, gene BRAF (comprendente: analisi mutazionale del gene BRAF mediante analisi di sequenza - 91303X3; Analisi di mutazione nota del gene BRAF mediante sequenziamento - 91303X1);

- diagnosi molecolare di sindrome di Costello, NGS-RASopathie (comprendente: sequenziamento di seconda generazione per la sindrome di Costello - 91303X7)

- diagnosi molecolare di disomia uniparentale (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; studio della disomia uniparentale del cromosoma 2 o 6 o 14 o 16 o 20 mediante analisi di marcatori microsatellite polimorfici - 91302 x 4);

- diagnosi molecolare di displasia Oculo-Dento-Digitale (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi mutazionale del gene GJA1 mediante sequenziamento - 91303 x 3; Analisi di mutazione nota del gene GJA1 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di Distonia Mioclonica (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; Analisi mutazionale del gene SGCE mediante sequenziamento - 91303 x 4; Analisi di mutazione nota del gene SGCE mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di Distonia primaria di torsione (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi di mutazione nota del gene DYT1 - 91302 x 1; Analisi di mutazione nota del gene THAP1 - 91303x1);

- diagnosi molecolare di Distrofia miotonica di Steinert (I livello SHORT PCR comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; Analisi di mutazione del gene DMPK mediante PCR - 91302 x 1; 91293 x 1);

- diagnosi molecolare di Distrofia muscolare dei cingoli di tipo 1C (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; Analisi mutazionale del gene CAV3 mediante sequenziamento - 91303 x 1; Analisi di mutazione nota del gene CAV3 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di sindrome di Ellis-Van Creveld, gene EVC (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; Analisi mutazionale del gene EVC mediante sequenziamento 91303 x 7; Analisi di mutazione nota del gene EVC mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di sindrome di Ellis-Van Creveld, gene EVC2 (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; Analisi mutazionale del gene EVC2 mediante sequenziamento 91303 x 7; Analisi di mutazione nota del gene EVC2 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di Esostosi multiple ereditarie, gene EXT1 (comprendente: estrazione di

DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des EXT1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 5; Suche nach Mutationen des EXT1-Gens durch Sequenzierung – 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf multiple hereditäre Exostosen, EXT2-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des EXT2-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 5; Suche nach Mutationen des EXT2-Gens durch Sequenzierung – 91303x1)

- molekulargenetische Analyse auf zystische Fibrose (Text von 38 bekannte Mutationen, einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach bekannten Mutationen des CFTR-Gens mittels reverse dot blot - 91301 x 2; Suche nach Mutationen des CFTR-Gens durch Sequenzierung – 91303x1)

- molekulargenetische Analyse auf Neurodegeneration, an pantotenato chinasi assoziiert (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des PANK2-Gens durch Sequenzierung 91303 x 3; Suche nach Mutationen des PANK2-Gens durch Sequenzierung – 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf Androgenresistenz (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des AR-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 4; Suche nach Mutationen des AR-Gens durch Sequenzierung – 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf Hypochondroplasie (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des FGFR3-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Joubert-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Sequenzanalyse zur Bestätigung von bekannter Mutation - 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Kennedy-Krankheit (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach bekannter Mutation des AR-Gens -91302 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Legius-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des SPRED1-Gens durch Sequenzierung 91303 x 3): - 91303 x 3; Suche nach Deletionen und Duplikationen des SPRED1-Gens durch MLPA – 91293 x 2 e 91294 x 1; Suche nach Mutationen des SPRED1-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Legius-Syndrom NGS-RASopathie (einschließlich: 2. Generation Sequenzierung für Legius-Syndrom-91303 x 7);

- molekulargenetische Analyse auf LEOPARD-Syndrom, PTPN11-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des PTPN11-Gens durch

DNA – 91365x1; Analisi mutazionale del gene EXT1 mediante sequenziamento - 91303 x 5; Analisi di mutazione nota del gene EXT1 mediante sequenziamento – 91303x1);

- diagnosi molecolare di Esostosi multiple ereditarie, gene EXT2 (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; Analisi mutazionale del gene EXT2 mediante sequenziamento - 91303 x 5; Analisi di mutazione nota del gene EXT2 mediante sequenziamento – 91303x1);

- diagnosi molecolare di Fibrosi cistica (test 38 mutazioni note comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; Analisi di mutazioni note nel gene CFTR mediante reverse dot blot - 91301 x 2; Analisi di mutazione nota del gene CFTR mediante sequenziamento – 91303x1);

- diagnosi molecolare di neurodegenerazione associata alla pantotenato chinasi (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene PANK2 mediante sequenziamento 91303 x 3) Analisi di mutazione nota del gene PANK2 mediante sequenziamento – 91303x1);

- diagnosi molecolare di insensibilità agli androgeni (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene AR mediante sequenziamento - 91303 x 4); Analisi di mutazione nota del gene AR mediante sequenziamento – 91303x1);

- diagnosi molecolare di Ipocondroplasia (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene FGFR3 mediante sequenziamento 91303 x 1);

- diagnosi molecolare di sindrome di Joubert (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi di sequenza per conferma di mutazione nota - 91303 x 1);

- diagnosi molecolare di Malattia di Kennedy (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; Analisi di mutazione nota del gene AR -91302 x 1);

- diagnosi molecolare di sindrome di Legius (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene SPRED1 mediante sequenziamento - 91303 x 3; ricerca di delezioni e duplicazioni del gene SPRED1 mediante MLPA – 91293 x 2 e 91294 x 1); Analisi di mutazione nota del gene SPRED1 mediante sequenziamento – 91303x1);

diagnosi molecolare di sindrome di Legius, NGS - RASopathie (comprendente: sequenziamento di seconda generazione per la sindrome di Legius 91303 x 7);

- diagnosi molecolare di sindrome LEOPARD, gene PTPN11 (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene PTPN11 mediante

Sequenzierung - 91303 x 5; Suche nach Mutationen des PTPN11-Gens durch Sequenzierung - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf Leopard-Syndrom NGS-RASopathie (einschließlich: 2. Generation Sequenzierung für Leopard-Syndrom-91303 x 7);

- molekulargenetische Analyse auf LEOPARD-Syndrom, RAF1-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des RAF1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 5; Suche nach Mutationen des RAF1-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Martin Bell-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutation des FMR1-Gens mittels PCR - 91293 x 1; 91302 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Mikrodeletionen des Y-Chromosoms (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mikrodeletionen des Y-Chromosoms mittels PCR - 91293 x 4);

- molekulargenetische Analyse auf syndromale Mikrophthalmie Typ 3 (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des SOX2-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 2; Suche nach Mutationen des SOX2-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf kongenitale Myotonie Typ Thomsen/Becker (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des CLCN1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 7; Suche nach Mutationen des CLCN0-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf multiple endokrine Neoplasien Typ 2 (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des RET-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 3; Suche nach Mutationen des RET-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Neurofibromatose Typ 1 (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des NF1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 15; Suche nach Mutationen des NF1-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

- molekulargenetische Analyse auf Noonan-Syndrom NGS-RASopathie (einschließlich: 2. Generation Sequenzierung für Leopard-Syndrom-91303 x 7);

- molekulargenetische Analyse auf Noonan-Syndrom, PTPN11-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion - 91365x1; Suche nach Mutationen des PTPN11-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 5; Suche nach Mutationen des NF1-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);

sequenzierung - 91303 x 5; Analisi di mutazione nota del gene PTPN11 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di sindrome LEOPARD, NGS - RASopathie (comprendente: sequenziamento di seconda generazione per la sindrome di LEOPARD 91303 x 7);

- diagnosi molecolare di sindrome LEOPARD, gene RAF1 Analisi mutazionale del gene RAF1 mediante sequenziamento - 91303 x 5; Analisi di mutazione nota del gene RAF1 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di sindrome di Martin Bell (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi di mutazione del gene FMR1 mediante PCR - 91293 x 1; 91302 x 1);

- diagnosi molecolare di microdelezioni cromosoma Y (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi delle microdelezioni del cromosoma Y mediante PCR - 91293 x 4);

- diagnosi molecolare di Microftalmia sindromica 3 (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi mutazionale del gene SOX2 mediante sequenziamento - 91303 x 2; Analisi di mutazione nota del gene SOX2 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di Miotonia congenita di Thomsen/Becker (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; Analisi mutazionale del gene CLCN1 mediante sequenziamento 91303 x 7; Analisi di mutazione nota del gene CLCN1 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di neoplasie endocrine multiple tipo 2 (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi mutazionale del gene RET mediante sequenziamento 91303 x 3; Analisi di mutazione nota del gene RET mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di Neurofibromatosi di tipo 1 (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi mutazionale del gene NF1 mediante sequenziamento 91303 x 15; Analisi di mutazione nota del gene NF1 mediante sequenziamento - 91303x1);

- diagnosi molecolare di sindrome di NOONAN, NGS - RASopathie (comprendente: sequenziamento di seconda generazione per la sindrome di NOONAN 91303 x 7);

- diagnosi molecolare di sindrome di Noonan, gene PTPN11 (comprendente: estrazione di DNA - 91365x1; analisi mutazionale del gene PTPN11 mediante sequenziamento - 91303 x 5; Analisi di mutazione nota del gene PTPN11 mediante sequenziamento - 91303x1);

- molekulargenetische Analyse auf Noonan-Syndrom, RAF1-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des RAF1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 5; Suche nach Mutationen des RAF1-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);
- molekulargenetische Analyse auf Noonan-Syndrom, SOS1-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des SOS1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 7; Suche nach Mutationen des SOS1-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);
- molekulargenetische Analyse auf Noonan-Syndrom, SHOC2-Gen (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des SHOC2-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 1);
- molekulargenetische Analyse auf Parkinson-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Deletionen, Duplikationen und Mutationen mittels MLPA - 91293x2; 91294x1);
- molekulargenetische Analyse auf Parkinson-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des PARK2-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 4; Suche nach Mutationen des PARK2-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1);
- molekulargenetische Analyse auf Prader Willi-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Deletionen, Duplikationen und Methylierungsdefekten der PWS/AS-Region mittels MS-MLPA- 91293x2; 91294x1; 91364x1);
- molekulargenetische Analyse auf Silver-Russell-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Deletionen, Duplikationen und Methylierungsdefekten der BWS/SRS-Region mittels MS-MLPA- 91293x2; 91294x1; 91364x1);
- molekulargenetische Analyse auf Streptomycin-induzierte Schwerhörigkeit (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach bekannten Mutationen des mitochondrialen DNS durch Sequenzierung 91303 x 1);
- molekulargenetische Analyse auf neurosensorialische Taubheit (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des GJB2-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 1; Suche nach Mutationen des GJB2-Gens durch Sequenzierung 91303 x 1; Suche nach Rückfalldeletionen des GJB2-Gens und GJB6-Gens mittels PCR Multiplex und Kapillarelektrophorese - 91293x1; 91302x2; Suche nach Mutationen des Esone1 des GJB2-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 1);
- molekulargenetische Analyse auf Wolfram-Syndrom (einschließlich: DNS-Extraktion – 91365x1; Suche nach Mutationen des WFS1-Gens durch Sequenzierung - 91303 x 5; Suche nach Mutationen des WFS1-Gens durch
- diagnosi molecolare di sindrome di Noonan, gene RAF1 (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene RAF1 mediante sequenziamento - 91303 x 5; Analisi di mutazione nota del gene RAF1 mediante sequenziamento – 91303x1);
- diagnosi molecolare di sindrome di Noonan, gene SOS1 (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene SOS1 mediante sequenziamento - 91303 x 7; Analisi di mutazione nota del gene SOS1 mediante sequenziamento – 91303x1);
- diagnosi molecolare di sindrome di Noonan, gene SHOC2 (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi di mutazione nota del gene SHOC2 mediante sequenziamento- 91303 x 1);
- diagnosi molecolare di malattia di Parkinson (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; ricerca di delezioni, duplicazioni e mutazioni mediante MLPA - 91293x2; 91294x1);
- diagnosi molecolare di malattia di Parkinson (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; Analisi mutazionale del gene PARK2 mediante sequenziamento - 91303 x 4; Analisi di mutazione nota del gene PARK2 mediante sequenziamento – 91303x1);
- diagnosi molecolare di sindrome di Prader Willi (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; ricerca di delezioni, duplicazioni e difetti di metilazione della regione PWS/AS mediante MS-MLPA- 91293x2; 91294x1; 91364x1);
- diagnosi molecolare di sindrome Silver-Russell (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; Ricerca di delezioni, duplicazioni e difetti di metilazione della regione BWS/SRS mediante MS-MLPA 91293x2; 91294x1; 91364x1);
- diagnosi molecolare di sordità indotta da streptomycin (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; Analisi di mutazioni note del DNA mitocondriale mediante sequenziamento 91303 x 1);
- diagnosi molecolare di Sordità neurosensoriale AR1 (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; analisi mutazionale del gene GJB2 mediante sequenziamento 91303x1; Analisi di mutazione nota del gene GJB2 mediante sequenziamento – 91303X1; Analisi delle delezioni ricorrenti dei geni GJB2 e GJB6 mediante PCR multiplex ed elettroforesi capillare – 91293x1; 91302X2; analisi di mutazione nota nell'esone 1 del gene GJB2 mediante sequenziamento – 91303x1);
- diagnosi molecolare di Sindrome di Wolfram (comprendente: estrazione di DNA – 91365x1; Analisi mutazionale del gene WFS1 mediante sequenziamento - 91303x5; Analisi di mutazione nota del gene WFS1 mediante sequenziamento – 91303X1).

Sequenzierung - 91303 x 1.

Falls die DNS der zu analysierenden Probe bereits extrahiert wurde, wird den dementsprechenden Posten (Euro 38,63) nicht zurückerstattet.

Die Tarife beinhaltet auch eventuelle Untersuchungen bei den Eltern.

Art. 3 - Verantwortliche

Die Verantwortlichen der entsprechenden Bereiche für den **Sanitätsbetrieb** sind:

- Dienst für Kinder- und Jugendneuropsychiatrie, Dr. Michela Salandin, tel. 0471 466601 – fax 0471466609;

- Dienst für Genetische Beratung, Dr. Franco Stanzial, tel. 0471 907100 – fax 0471 907101;

wohingegen, für das „Istituto CSS-Mendel“ von Rom sind:

- Diagnostisches Zytogenetischlabor, Frau Dr. Laura Bernardini, tel 06-44160502/501, fax 06-44160548;

- Diagnostisches Molekulargenetischlabor Dr. Alessandro De Luca, tel 06-44160510, fax 06-44160548.

Art. 4 – Technische und wissenschaftliche Unterstützung

CSS stellt sich zur Verfügung um technische und wissenschaftliche Unterstützung zu geben, sowohl für Fälle die eine weitere Recherche benötigen, als auch für jene die ein negatives Resultat ergeben, besonders für die Unterscheidung zwischen den Normalvarianten ohne pathologische Bedeutung und den pathogenetischen Mutationen. Diese Unterstützungsarbeit muss ein Verzeichnis der Gene beinhalten, die sich in den eventuell deletierten/duplizierten genomischen Regionen befinden und eventuelle weitere Untersuchungsmöglichkeiten vorschlagen.

Art. 5 – Versand der Proben

Der **Sanitätsbetrieb** wird auf eigene Kosten für die Entnahme, Verpackung und Versand der Proben sorgen, mit der genauen Angabe der durchzuführenden Untersuchung.

Die Zusendung der Proben seitens des **Sanitätsbetriebs** muss nach vorheriger Vereinbarung und gemäß der vom „Istituto CSS-Mendel“ von Rom angewendeten Prozedur, durchgeführt werden.

Die termingemäße Mitteilung der Hinweise und der Art des angeforderten Tests stehen unter eigener Verantwortung der Struktur/Labor zu, die die Proben verschickt.

Der **Sanitätsbetrieb**, der die Proben verschickt, ist ebenfalls für eventuelle Fehler/Misstände/Verspätungen einer korrekten Diagnosestellung, als Folge einer fehlerhaften Datenmitteilung, verantwortlich.

Qualora il DNA del campione da analizzare fosse già stato estratto, la relativa voce (Euro 38,63) non verrà rimborsata.

La tariffa comprende anche gli eventuali accertamenti sui genitori.

Art. 3 - Responsabili

I responsabili dei relativi settori saranno per l'**Azienda Sanitaria**:

- Servizio di Neuropsichiatria Infantile e dell'Adolescenza, la dott.ssa Salandin Michela, tel. 0471 466601 – fax 0471466609;

- Servizio di Consulenza Genetica, il Dr. Franco Stanzial, tel. 0471 907100 – fax 0471 907101;

mentre, per l'„Istituto CSS-Mendel“ di Roma saranno:

- Laboratorio Diagnostico di Citogenetica, la Dott.ssa Laura Bernardini, tel 06-44160502/501, fax 06-44160548;

- Laboratorio Diagnostico di Genetica Molecolare, il Dott. Alessandro De Luca, tel 06-44160510, fax 06-44160548.

Art. 4 - Supporto tecnico - scientifico

CSS si rende disponibile a fornire supporto tecnico – scientifico sia su casi che necessitano di approfondimenti che su quelli negativi, in particolare per la distinzione tra le varianti della normalità senza significato patologico e le mutazioni patogenetiche. Tale supporto dovrà includere l'elenco dei geni compresi nelle regioni genomiche eventualmente delete/duplicate e la formulazione di proposte su eventuali approfondimenti.

Art. 5 – Invio campioni

L'**Azienda Sanitaria** provvederà a proprie cure e spese al prelievo, confezionamento ed invio dei campioni da esaminare specificando altresì il tipo di esame da effettuare.

L'invio dei campioni da parte dell' **Azienda Sanitaria** dovrà avvenire previa intesa e in conformità alle procedure in vigore presso l'„Istituto CSS-Mendel“ di Roma.

La puntuale comunicazione delle indicazioni al test e del tipo di test richiesto competono, sotto la propria responsabilità, alla struttura/laboratorio che invia i campioni.

L'**Azienda Sanitaria** che invia i campioni da analizzare è altresì responsabile di eventuali errori/disfunzioni/ritardi nella corretta formulazione della diagnosi, conseguenti da errata comunicazione.

Art. 6 - Ergebniszeit

CSS gewährleistet für die CGH Array-Untersuchung eine Ergebniszeit innerhalb von 120 Tagen, ausgenommen Dringlichkeitsfälle (Kinder die in der Intensivstation aufgenommen sind oder schwangere Mutter des Probanden), für welche eine Ergebniszeit innerhalb von 20 Tagen gewährleistet wird. Für das Noonan-Syndrom ist die durchschnittliche Ergebniszeit von 90 Tagen.

Art. 7 – Besondere Leistungen

CSS versichert ein durchschnittliches Auflösungs-niveau (durchschnittlicher Abstand der Oligonucleotide) von 75Kb, 105Kb, 244Kb, 180Kb, laut spezifischer Anforderung des **Sanitätsbetriebes**.

Die Molekulardiagnose für das Noonan-Syndrom sieht die Suche nach Mutationen im Gen PTPN11 vor, mittels DHPLC- Methodik und Sequenzierungsanalyse, mit einer diagnostischen Sensibilität von ca. 50%. Je nach Fall, kann für Forschungszwecke, eine Erweiterung der Analyse auf weitere Gene, die mit dem Noonan-Syndrom assoziiert sind, vorgesehen werden.

Art. 8 – Zahlungen

CSS stellt monatlich die Rechnung aus und der Sanitätsbetrieb verpflichtet sich dieselbe innerhalb von 60 Tagen ab Empfangsdatum, zu bezahlen.

Die Rechnung muss obligatorisch in elektronisches Format laut geltenden Bestimmungen ausgestellt werden.

Die Rechnung wird als zahlbar erachtet, nur nachdem der **Sanitätsbetrieb** die vollständige Dokumentation für die Kontrolle, die jede einzelne Leistung und die Identifikationsdaten des Patienten aufzeigt, erhalten hat.

Bei Auslassung oder ungenauer Vorstellung der obengenannten Dokumentation wird automatisch die Zahlung der Rechnung, innerhalb der festgelegten 60 Tage, eingestellt (ohne vorherige Beanstandung). Diese Unterbrechung wird bis vollständiger Erfüllung der obengenannten Verpflichtungen, dauern.

Art. 9 - Datenverarbeitung

Die Vertragspartner verpflichten sich zur Einhaltung der gültigen Bestimmungen im Bereich des Schutzes der personenbezogenen Daten (EU-Verordnung Nr. 679/2016 und GVD Nr. 196/2003, abgeändert durch das GVD Nr. 101/2018).

Die Vertragspartner vereinbaren, dass der **Sanitätsbetrieb** als Verantwortlicher der personenbezogenen Daten der Patienten, durch einen getrennten Akt den **CSS** als Auftragsverarbeiter der Verarbeitung der personenbezogenen Daten gemäß Art. 28 der EU Verordnung Nr. 679/2016 ernennen wird.

Art. 6 - Tempi di refertazione

CSS garantisce per la CGH Array tempi certi di refertazione entro 120 gg., escluso le urgenze (bambini ricoverati in terapia intensiva o madre del probando in gravidanza) per le quali i tempi sono garantiti entro 20 gg.

Per la Sindrome di Noonan i tempi di refertazione medi sono di 90 gg.

Art. 7 – Esami particolari

CSS assicura un livello medio di risoluzione del test di CGH Array (spaziatura media degli oligonucleotidi) a 75Kb, 105Kb, 244Kb, 180Kb, secondo richiesta specifica dell' **Azienda Sanitaria**.

La diagnosi molecolare per la sindrome di Noonan prevede la ricerca di mutazioni nel gene PTPN11, con metodica DHPLC e analisi di sequenza, con sensibilità diagnostica di circa il 50%. Potrà essere valutata di caso in caso, l'estensione dell'analisi ad altri geni associati alla s. di Noonan, a fini di ricerca.

Art. 8 – Pagamenti

CSS emetterà mensilmente la fattura che l'Azienda Sanitaria si obbliga al pagamento entro 60 giorni dalla data di ricevimento della stessa. La fattura sarà emessa obbligatoriamente in formato elettronico secondo la normativa vigente.

La fattura sarà considerata pagabile solo quando perverrà all'**Azienda Sanitaria** tutta la documentazione necessaria al suo controllo, riportante la singola prestazione con gli estremi identificativi del paziente.

L'omessa od inesatta presentazione della documentazione di cui sopra sospenderà automaticamente (senza alcun onere di preventiva contestazione) l'obbligo da parte dell'**Azienda Sanitaria** di pagare entro 60 giorni dalla data di ricevimento della fattura. La sospensione opera fino al giorno in cui i predetti obblighi saranno adempiuti.

Art. 9 – Trattamento dei dati

Le parti si impegnano ad osservare le disposizioni vigenti in materia di protezione dei dati personali (Regolamento UE n. 679/2016 e D.lgs n. 196/2003 così come modificato dal D.lgs n. 101/2018)

Le parti convengono che l'**Azienda Sanitaria** in qualità di titolare del trattamento dei dati personali dei pazienti provvederà, con atto separato alla presente, alla nomina di **CSS** a responsabile del trattamento dei dati così come previsto dall'art. 28 del Regolamento UE n. 679/2016.

Art. 10 - Verwaltungszuständigkeit

Die gesamten verwaltungsmäßigen, ökonomischen, sanitären und technischen Verhältnisse bezüglich den Inhalt des vorliegenden Abkommens, werden ausschließlich zwischen der Verwaltung des **CSS** und jener des **Sanitätsbetriebs** ausgemacht.

Art. 11 - Haftungsausschluss

CSS übernimmt jegliche Haftung für Schäden, die aufgrund seiner eigenen Unterlassung, Nachlässigkeit oder Nichterfüllung bei der Ausführung der vertraglich vereinbarten Leistungen entstehen und verpflichtet sich, den LGD von etwaigen Schadensersatzforderungen Dritter, die ihm gegenüber aufgrund von Handlungen, Unterlassungen oder Ereignissen bei der Ausführung des vorliegenden Abkommens geltend gemacht werden, schadlos zu halten.

Art. 12 - Ethikkodex, Dreijahresplanes zur Vorbeugung der Korruption und Kodex der Dienst- u. Verhaltenspflichten

CSS erklärt, dass er in den Inhalt des Ethikkodex vom **Sanitätsbetrieb** sowie des Dreijahresplanes zur Vorbeugung der Korruption laut Gesetz Nr. 190/2012 und vom Kodex der Dienst- u. Verhaltenspflichten laut DPR Nr. 62/2013 kennt, die auf der Webseite des Gesundheitsbetriebes veröffentlicht sind, eingesehen haben und inhaltlich annimmt.

CSS verpflichtet sich, bei der Durchführung der Tätigkeiten in Zusammenhang mit dieser Vereinbarung, sich gemäß den Grundsätzen der oben angeführten Maßnahmen zu benehmen und sind sich bewusst, dass die Verletzung der darin enthaltenen gesetzlichen Bestimmungen und Bedingungen Nichterfüllung des Vertrages darstellt; diese kann in Verhältnis zur Schwere bis zur Auslösung der Abkommens bestraft werden.

Art. 13 - Stempelgebühr

Die Stempelgebühren gehen zu Lasten von **CSS** und werden in virtueller Form von **Sanitätsbetrieb** vorgestreckt. Der **Sanitätsbetrieb** wird sie vom **CSS** eintreiben.

Im Sinne von Artikel 5, Absatz 2, des D.P.R. 26.04.1986, Nr. 131 unterliegt vorliegende Abmachung der Registrierungspflicht im Falle des Gebrauches.

Art. 14 - Gesetzliche Regelung

Dieses Abkommen und die daraus folgenden Rechte und Pflichten der Parteien fußen auf die geltenden Rechtsvorschriften und müssen nach diesen interpretiert werden. Für alles was nicht ausdrücklich von dieser Vereinbarung vorgesehen ist, verweisen die Parteien auf die Bestimmungen der Gesetzesbücher und der geltenden Sondergesetze.

Art. 10 – Competenza Amministrativa

Tutti i rapporti di carattere amministrativo, economico, sanitario e tecnico per la materia regolata dal presente accordo intercorreranno esclusivamente tra l'Amministrazione di **CSS** e l'Amministrazione dell'**Azienda Sanitaria**.

Art. 11 – Clausola di manleva

CSS assume ogni responsabilità per qualsiasi danno causato da propria omissione, negligenza o altra inadempienza nell'esecuzione delle prestazioni contrattate e si obbliga ad esonerare il SSP da eventuali pretese risarcitorie di terzi nei confronti di questo, avanzate a causa di fatti, omissioni o eventi derivanti dall'esecuzione del presente accordo.

Art. 12 – Codice etico, Piano triennale di prevenzione e corruzione e Codice di Comportamento

CSS dichiara di aver preso visione del contenuto del Codice Etico dell'**Azienda Sanitaria** nonché del Piano triennale di prevenzione della corruzione ai sensi della L. n. 190/2012 e del Codice di Comportamento ai sensi del D.P.R. n.62/2013 pubblicati sul sito aziendale.

CSS si impegna ad adottare, nello svolgimento delle funzioni connesse all'accordo in oggetto, comportamenti conformi alle previsioni contenute in quanto sopra illustrato ed è consapevole che la violazione delle disposizioni normative contenute nei documenti su indicati nonché nelle normative citate, costituirà inadempimento contrattuale e sarà sanzionata in misura proporzionale alla gravità sino alla risoluzione del presente contratto.

Art. 13 – Spese di bollo

Le spese di bollo sono a carico di **CSS** e sono assolte in modo virtuale dall'**Azienda Sanitaria** che provvederà a recuperarle da **CSS**

Ai sensi dell'art. 5, comma 2, del D.P.R. 26.4.1986 n. 131 il presente accordo è soggetto a registrazione in caso di uso.

Art. 14 - Legge Regolatrice

Il presente accordo ed i diritti e gli obblighi delle parti dallo stesso derivanti saranno retti ed interpretati secondo la legislazione vigente. Per quanto non espressamente previsto dal presente accordo le parti fanno espresso rinvio alle norme codicistiche e alle leggi speciali vigenti.

Art. 15 - Gültigkeit

Das vorliegende Vertragsabkommen ist mit Wirkung ab 01.01.2020 bis zum 31.12.2021 gültig, es sei denn erfolgt der vorherige Rücktritt eines der beiden Vertragspartner, mittels zertifizierte E-Mail, unter Einhaltung einer Kündigungsfrist von 60 Tagen.

Die Vertragspartner behalten sich für jeden Augenblick die Möglichkeit vor, das vorliegende Fachgebiet, angesichts allfälliger Gesetzesakte oder anderer, hinsichtlich des hier behandelten Gebietes, bedeutender Rechtsbeziehungen, sowie im Falle von Maßnahme für die organisatorische Neugestaltung des Bereichs, welcher Gegenstand dieser Vereinbarung ist, neu zu überprüfen.

Art. 16 - Benachteilige Klausel

Im Sinne und für die Wirkungen von Artt. 1322 - 1341 und 1342 ZGB erklärt das **CCS** in Person des gesetzlichen Vertreters die Art. 8, 11,12, 14 und 15 dieser Abmachung eingesehen zu haben und ausdrücklich anzunehmen.

Gelesen, bestätigt und unterschrieben:

Für die Stiftung „Casa Sollievo della Sofferenza di San Giovanni Rotondo (FG)“
Per la Fondazione "Casa Sollievo della Sofferenza" di San Giovanni Rotondo (FG)
Der Generaldirektor – Il Direttore Generale
Dr. Michele Giuliani (digitale Unterschrift – firma digitale)

Für den Sanitätsbetrieb der Autonomen Provinz Bozen
Per l'Azienda Sanitaria della Provincia Autonoma di Bolzano
Der Generaldirektor – Il Direttore Generale
Dr. Florian Zerzer (digitale Unterschrift – firma digitale)

Art. 15 – Validità

Il presente accordo contrattuale vale dall'1.1.2020 fino al 31.12.2021, salvo disdetta da una delle parti da comunicarsi tramite PEC con preavviso di 60 giorni.

Le parti si riservano di riesaminare in qualsiasi momento la presente disciplina alla luce di eventuali atti legislativi o di altri atti rilevanti ai fini della materia qui trattata nonché in caso di provvedimenti di riassetto organizzativo del settore oggetto dell'accordo.

Art. 16 - Clausole vessatorie

Ai sensi e per gli effetti di cui agli artt. 1322 – 1341 e 14342 C.C., la **CSS** nella persona del suo legale rappresentante dichiara di aver preso visione e di approvare specificatamente il disposto di cui agli articoli: 8,11,12,14 e 15 dell'accordo.

Letto, confermato e sottoscritto: